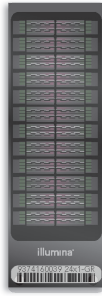


HumanOmniExpress-24 BeadChip

形質と疾病の新たな関連性の発見に役立つコモンtag SNPをお手頃な価格でご提供

図1 : HumanOmniExpress-24 BeadChip



HumanOmniExpress-24 BeadChipは、業界で最もハイスループットなアレイで、国際HapMap計画で評価されているとおり、コモンSNP変異のカバレッジに優れています。

概要

HumanOmniExpress-24 BeadChipは、全ゲノム関連解析 (genome-wide association study: GWAS) において優れた能力を発揮し、包括的なゲノムコンテツにより、高いサンプルスループットを実現します。実績のあるHiScan®もしくはiScanシステムを使用することで、これらのBeadChipは、1週間に数千サンプルという圧倒的に高いスループットを誇り、予算内でできる限りのサンプル数を処理するのに理想的なソリューションとなります。HapMapの全3期で得られた最適 tag SNPのコンテツは、最大数のコモンSNP変異を検出し、形質と疾病の新たな関連性を発見できるように戦略的に選択されています。さらに柔軟性を高めるため、BeadChipのHumanOmniExpress-24+バージョンでは、最大5万もの追加のビーズタイプでカスタム化することが可能です。

製品情報

HumanOmniExpress-24 BeadChip データ解析キット	カタログ番号
48 サンプル	WG-312-3001
288 サンプル	WG-312-3002
1152 サンプル	WG-312-3003
HumanOmniExpress-24+ BeadChip DNA 解析キット*	
48 サンプル	WG-312-3005
288 サンプル	WG-312-3006
1152 サンプル	WG-312-3007

*さらなるコンテツのカスタム化が可能

HumanOmniExpress-24 製品情報

特徴	説明
マーカー数	71.5 万以上
OmniExpress-24 BeadChip あたりのサンプル数	24
OmniExpress-24+ BeadChip あたりのサンプル数	24
DNA 必要量	200ng
アッセイ	Infinium® HTS
対応装置	HiScan もしくは iScan
サンプルスループット*	2800 サンプル/週
スキャン時間/ サンプル	2.5 分

検出された変異 % ($r^2 > 0.8$)	1kGP [†] MAF 5% 以上	1kGP [†] MAF 1% 以上
CEU	0.73	0.58
CHB+JPT	0.74	0.62
YRI	0.40	0.25

データパフォーマンス	値 [‡] / 製品仕様
コール頻度	99.84%/ 平均 99% 以上
再現性	99.99%/99.9% 以上
Log R 偏差	0.15/0.30 未満 [§]

スペース	平均値 / 中央値 / 第 90 百分位値
スペース (Kb)	4.0/2.1/9.3

マーカーカテゴリ	マーカー数
RefSeq 遺伝子 10Kb 中の SNP 数	392,197
非同義の SNP (NCBI アノテーション)	15,062
MHC/ADME	7,459/16,649
性染色体 (X/Y/PAR 座位)	18,055/1,409/471

* 概算値はiScanシステム1台、AutoLoader 2.x1台、Tecanロボット1台、労働日数週5日と仮定。

[†] 2011年6月にリリースされた1kGPデータと比較。

[‡] リファレンスサンプルからの算出値。

[§] 典型的なプロジェクトにおける予測値。腫瘍サンプルや、イルミナ標準プロトコル以外で調製されたサンプルを除く。

