



## illumina Informatics Quarterly Newsletter | Q2 2020

### ハイライト記事

#### Integrating DRAGEN Into Your Existing Setup: Simple and Efficient

ラボ効率の向上や運用規模拡大に、既存インフラの大規模な見直しは必要ありません。既存インフラへの **DRAGEN** のシームレスな統合により、世界中のお客様が規模拡大、精度向上、運用効率化を実現しています。既存の高性能コンピューティング (HPC) やクラウドソリューションへの DRAGEN の統合について詳述します。

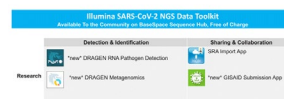


[詳細はこちら](#) »

### COVID-19 に関するニュースおよび最新情報

#### COVID-19 を根絶する世界的な取り組みを支援するソフトウェアツールキットを無償で提供

イルミナのツールキットを使えば、サンプル中の SARS-CoV-2 のウイルス配列を容易に検出および同定し、その結果を主要公共データベースに提供できます。イルミナは、感染拡大を防ぐ取り組みを支援するため、世界各国の研究機関にこのツールキットを無償で提供しています。プレスリリースは[こちら](#)からご覧ください。



[詳細はこちら](#) »

#### COVID-19 に関わる研究機関に BaseSpace Clarity LIMS を無償で提供

正確な解析結果と解釈で COVID-19 との闘いに貢献するには、ワークフロー全体にわたるサンプルの追跡と、サンプル処理工程の迅速な立ち上げが極めて重要です。COVID-19 サンプルを扱うラボに **BaseSpace Clarity LIMS** 年間ライセンスを無償で提供し、COVID-19 サンプルの効率的かつ正確な処理をサポートします。BaseSpace Clarity LIMS には、COVID-19 サンプル処理の立ち上げを迅速化する 2 つの新しい COVID-19 用ワークフローが含まれています。



**Manage Workflow**  
Clarity LIMS Protocols

[詳細はこちら](#) »

### 製品の最新情報: ゲノミクス用ソフトウェア

Lab Workbench:

## Clarity LIMS: イルミナプリセットプロトコル、NextSeq™ 2000 統合などを備えた v5.3 リリース

今年イルミナは [BaseSpace Clarity LIMS を再リリース](#)しました。Clarity LIMS は、規制されたラボに効率的なサンプル追跡とワークフロー管理を提供するクラウドゲノミクス LIMS です。BaseSpace Clarity LIMS の [バージョン 5.3 のリリース](#)をお知らせします。主な機能は詳細をご覧ください。

BaseSpace™  
Clarity LIMS

[詳細はこちら »](#)

Data Workbench:

## 新しい DRAGEN Metagenomics と DRAGEN RNA Pathogen Detection パイプライン

新しい DRAGEN RNA 転写解析用パイプラインをリリースしました。カバレッジ情報と k-mer 法を用いた病原性ウイルスの効率的な検出ができます。この新しいパイプライン DRAGEN RNA Pathogen Detection により、アプリケーションを問わず、DRAGEN RNA-seq Pipeline ランでの新型コロナウイルス SARS-CoV-2 の検出が可能です。

また、弊社は新しい DRAGEN Metagenomics パイプラインをリリースしました。この2つのパイプラインについては、弊社の BaseSpace Sequence Hub をご確認ください。

[詳細はこちら »](#)



[詳細はこちら »](#)

## DRAGEN TruSight Oncology 500 ctDNA パイプライン

今年はじめ、イルミナは TruSight™ Oncology500 ctDNA を発売し、血漿中のセルフリーDNA(cfDNA)から血中循環腫瘍 DNA(ctDNA)の包括的ゲノムプロファイリングを可能にしました。このソリューションでは、低頻度バリエーションを精確に検出し、TMB や MSI も解析できる、DRAGEN TruSight Oncology 500 ctDNA パイプラインを用いて解析を実施します。

[詳細はこちら »](#)



[詳細はこちら »](#)

## DRAGEN 解析結果の解釈に

[BaseSpace Variant Interpreter \(BSVI\)](#)内での DRAGEN Somatic パイプラインをリリースしました。がん研究者は BSVI の利点に加えてスピード、精度、拡張性を備えた DRAGEN を活用できるようになり、迅速な二次解析および三次解析が可能となります。

BaseSpace™  
Variant Interpreter

[詳細はこちら »](#)