### PhiX を用いた検証ランの実施方法 (MiniSeq™)

本資料では、PhiX controlライブラリーを用いた検証ラン(バリデーションラン)の実施方法をま とめております。

普段該当装置でシーケンスランを行っているお客様で、100% PhiXによる検証ランを行ったこと がない方向けの資料となっており、PhiX controlライブラリーのロード前の準備方法と、ランの設定 方法についてご案内します。該当装置用のラン試薬(Reagent Cartridge、Flow cellなど)の取り扱 いは通常のランと同じです。該当装置のシステムガイドをご参照ください。

#### [システムガイド] MiniSeq Documentation

https://support.illumina.com/sequencing/sequencing\_instruments/miniseq/documentation.html

<本資料の内容>

1.	PhiX controlライブラリーの変性および希釈方法	
	(1) 必要試薬および消耗品	··· p. 2
	(2) 試薬消耗品の事前準備	··· p. 2
	(3) PhiX controlライブラリーの変性と希釈方法	··· p. 3
2.	シーケンスランの設定方法	
	(1) Local Run Manager (LRM) を用いた方法	··· p. 5
	(2) Manual 設定を用いた方法	··· p. 7

\*最新の情報はイルミナ社 WEB サイト(https://jp.illumina.com/) でご確認ください。



MiniSeq<sup>™</sup>用: PhiXを用いた検証ランの実施方法

### 1. PhiX control ライブラリーの変性および希釈方法

MiniSeqでの100% PhiXランに使用するPhiX controlライブラリーの変性、希釈方法についてご案内します。

\*トラブルシュートのためのバリデーションランの際は、事前にイルミナサポート部に使用する Reagent Kitおよび最終ローディング濃度を確認してください。

#### (1) 必要試薬および消耗品

準備品	サプライヤー	備考
NextSeq PhiX Control Kit (FC-110-3002)	Illumina	<ul><li>・キットに含まれるResuspension</li></ul>
		Buffer (RSB) を希釈に使用
		・RSBは10 mM Tris-HCl, pH 8.5 with
		<b>0.1% Tween 20</b> でも代用可
1.0 N NaOH	General supplier	分子生物学用グレード
分子生物学用グレードの水	General supplier	MilliQ水など
200 mM Tris-HCI, pH 7.0	General supplier	
HT1 (Hybridization Buffer)	Illumina	MiniSeq Reagent Kitに同梱
MiniSeq Reagent Kit	Illumina	

#### (2) 試薬消耗品の事前準備

#### a. MiniSeq試薬カートリッジの準備など

・MiniSeqシステムガイドに従って、試薬カートリッジの解凍等の準備を行う。

#### b. HT1の準備

- 1. HT1を-20℃の冷凍庫から取り出し、室温で解凍する。
- 2. 完全に溶けたら撹拌し、使用するまで氷上に置いておく。

#### c. RSB (Resuspension Buffer) の準備

- 1. RSBを-20℃の冷凍庫から取り出し、室温で解凍する。
- 2. 完全に溶けたら撹拌し、使用するまで氷上に置いておく。

#### d. NaOHの準備

- 1. チューブ内で以下の分量で試薬を混ぜ、1 mLの0.1 N NaOH溶液を調製する。
  - ・分子生物学グレードの水 (900 µL)
  - ・1.0 N NaOHストック溶液 (100 µL)
- 2. チューブを数回転倒混和し、中身を混ぜる。

<sup>© 2024</sup> Illumina, Inc. All rights reserved. すべての商標および登録商標は、Illumina, Inc または各所有者に帰属します。商標および登録商標の詳細は jp.illumina.com/company/legal.html をご覧ください。 M-JP-00276

### illumina<sup>:</sup>

MiniSeq<sup>™</sup>用: PhiXを用いた検証ランの実施方法

\*0.1 N NaOH溶液は、0.1 Nに希釈した状態で作り置きするとpHが変動し、変性効率が低下するため、毎回1.0 Nストック溶液から希釈し直すことをお勧めいたします。(残った0.1 N NaOH溶液は、 調製後12時間以内であれば別のライブラリーの変性に使用して問題ありません。12時間以上、次の 使用までに時間が空く場合は、残った0.1 N NaOH溶液は廃棄ください。)

#### e. (オプション)PhiX controlライブラリーの定量

- ・PhiX controlライブラリーの濃度確認のため、二本鎖DNA特異的蛍光法を使用して定量する。
- (3) PhiX control ライブラリーの変性と希釈方法

#### a. PhiXを4 nM に希釈する

- 1. 以下の分量で溶液を混合し、PhiX controlライブラリーを4 nMに希釈する。
  - ・10 nM PhiX controlライブラリー (2 µL)
  - RSB (3 µL)
- 2. 4 nM PhiX溶液をボルテックスで軽く撹拌した後、スピンダウンする。

#### b. PhiXの変性

- 1. チューブ中で以下の分量で4 nMに希釈したPhiX溶液と新しく調製した0.1 N NaOHを混合 する。
  - ・4 nM PhiX溶液 (5 µL)
  - 0.1 N NaOH (5 µL)
- 2. 混合後のPhiX溶液をボルテックスで軽く撹拌する。
- 3. 軽く遠心(280 x gで1分程度)して、チューブの底に溶液を回収する。
- 4. チューブを室温で5分間インキュベートし、PhiXライブラリーを一本鎖に変性する。
- 5. 変性後のPhiX溶液に、200 mM Tris-HCl, pH 7.0を以下の分量で添加し、中和する。
  - ・変性したPhiX溶液 (10 µL)
  - 200 mM Tris-HCl, pH 7.0 (5 μL)
- 6. 溶液をボルテックスで軽く撹拌した後、軽く遠心する。
- 変性・中和後のPhiX溶液に、氷冷したHT1を以下の分量で添加し、20 pMのPhiX溶液1 mL を調製する。
  - ・変性・中和したPhiX溶液 (15 µL)
  - ・氷冷したHT1 (985 µL)

\*20 pM PhiX溶液は、-20℃の冷凍庫で3週間まで保存可能です。今回使用しなかった溶液は分注し て凍結保存できますが、凍結融解を繰り返したり3週間以上保存したりいたしますと、形成されるク ラスター数が減少する傾向がありますのでご注意ください。

#### c. 最終ローディング濃度への希釈

1. 変性済み20 pM PhiX溶液を氷冷しておいたHT1で希釈し、目的濃度まで希釈した500 µLの

<sup>© 2024</sup> Illumina, Inc. All rights reserved. すべての商標および登録商標は、Illumina, Inc または各所有者に帰属します。商標および登録商標の詳細は jp.illumina.com/company/legal.html をご覧ください。 M-JP-00276

MiniSeq<sup>™</sup>用: PhiXを用いた検証ランの実施方法

溶液を調製する。

	<u>Mid/High Output</u> kit	<u>Rapid</u> kit
	最終ローディング濃度 1.4 pM	最終ローディング濃度 <b>1.6 pM</b>
変性済 20 pM PhiX 溶液	35 µL	40 µL
氷冷 HT1	465 µL	460 µL
合計	Total 500 μL (1.4 pM)	Total 500 μL (1.6 pM)

2. 変性済み PhiX 溶液をボルテックスで軽く撹拌した後、軽く遠心する。

3. 試薬カートリッジにロードするまで氷上に置く。

\*試薬カートリッジを完全に融解したあと、使用する準備ができたら、調製したライブラリーをカ ートリッジにロードします。完成した変性PhiXライブラリー溶液500 µLのロード等の方法について は、MiniSeqシステムガイドをご参照ください。

[参考リンク] MiniSeq System Guide

[参考リンク] MiniSeq System Denature and Dilute Libraries Guide

(1. PhiX control ライブラリーの変性および希釈方法、以上)

### illumina

MiniSeq<sup>™</sup>用: PhiXを用いた検証ランの実施方法

### 2. シーケンスランの設定方法

PhiX controlライブラリーを用いた、バリデーションランの設定方法についてご案内します。

MiniSeq Control Software (MNCS) のバージョンによって、可能なラン設定方法が異なる場合があり ますが、本資料ではMNCS v2.0での設定手順をご案内します。下記の(1)あるいは(2)、いずれかの方 法にてラン設定ください。

\*トラブルシュートのためのバリデーションランについては、<u>使用するReagent Kit、ラン設定(サ</u> イクル数)をイルミナサポート部に事前に確認してください。

\*Read 1が26サイクル以上、かつサイクル数の合計が、使用するReagent kitの最大サイクル数を超 えないラン設定である必要があります。

[参考リンク: Bulletin] How many cycles of SBS chemistry are in my kit?

#### (1) Local Run Manager (LRM) を用いた方法

#### a. LRMの起動

- 1. MiniSeq装置上で、以下のいずれかの方法でLRMのダッシュボードを開く。
  - ・Desktop上にある、Local Run Manager (LRM) のショートカットをダブルクリック。

・Chromiumなどのブラウザを起動し、アドレスバーに「<u>https://localhost</u>」と入力。あるい は、ブックマークに「Local Run Manager (LRM)」があれば、そちらをクリック。

\*Local Run Managerでユーザー管理が有効になっている場合、最初にログインページが表示され、 ユーザーIDとパスワードの入力が求められます。

() Local R	un Marager ×						0 - 0 ×
€ © C ⊞ Apps fi	Secure   https://localhost r quick access, place your buckmark	VA/horbe a here on the bookmarks to	et filoport beckmarks no	×			<b>☆</b> 1
Local	Run Manager 📙	MINIE8	RUN DASHBOARD	TOOLS +			9. 7 illumina
		0 Roarty	0 Im Progress	0 Stopped or Unnuclemental	0 Comparte	0	
	RUN NAME / ID	MODULE	5	TATUS	1	AST MODIFIED +	
			- i nere i	are currently to	o tuns	Showin	g 1-1 of 1 liters(s) (Active Runs +
_	20 <b>-</b>		Matru Local No	nerd: Mindlag MiNd in Merager Vesice	IEG 124.1		

\*画像はLRM v2.4のものです。装置やバージョンによって細部が異なります。

© 2024 Illumina, Inc. All rights reserved. すべての商標および登録商標は、Illumina, Inc または各所有者に帰属します。商標および登録商標の詳細は jp.illumina.com/company/legal.html をご覧ください。 M-JP-00276

### illumina

MiniSeq<sup>™</sup>用: PhiXを用いた検証ランの実施方法

#### b. LRM上でのランの作成

1. 「Create Run」を選択し、ドロップダウンリストから「Generate FASTQ」を選択。



2. Create Runの画面で下記の内容を入力する。

\*画面上部、Run settingsまでには以下のようにご入力ください。

- Run Name: 適当な名前を入力(例:日付-PhiXrunなど)
- Library Prep kit: Customを選択
- Index Reads: 0を選択(\*重要)
- Read Type, Read Lengths:事前確認したラン設定を入力

(例) MiniSeq Mid Output Kit (300 Cycles) を使用し、Read 1を151サイクル、 Read 2を151サイクルで行う場合は、下記のようになります。

Read Type= Paired End

READ 1=151

READ 2=151

\*「Custom Primers」には、チェックを入れないでください。(重要)

Run Name *			Run Description			
YYMMDD-PhiXru	n		Run Description	(		
Run Settings			-			
Run Settings Library Prep Kit*	Custom	•	Read Type "	Single Read	Paired End	đ
Run Settings Jbrary Prep Kit* ndex Reads*	Custom	•	Read Type "	Single Read	Paired Enc INDEX 2	READ 2
Run Settings Jbrary Prep Kit* ndex Reads*	Custom 0 0 1 0 2	*	Read Type * Read Lengths *	Single Read READ 1 INDEX 1 151	Paired End	d READ 2

\*他の項目、画面中央のModule-Specific Settingsに関しては、デフォルト、あるいは空欄のままで問題ありません。

\*画面下部、SAMPLE IDの表は、一行目に「PhiX」と入力してください。他は空欄のままで問題ありません。

<sup>© 2024</sup> Illumina, Inc. All rights reserved. すべての商標および登録商標は、Illumina, Inc または各所有者に帰属します。商標および登録商標の詳細は jp.illumina.com/company/legal.html をご覧ください。 M-JP-00276

MiniSeq<sup>™</sup>用: PhiXを用いた検証ランの実施方法

Show Index Sequence			
SAMPLE ID *	SAMPLE DESCRIPTION	SAMPLE PROJECT	
1 PhiX			×
1 Rows			
Cancel		Export Sample Sheet 🛛 🖺 Save	Run

- 3. 画面右下の「Save Run」をクリックし、上記ラン設定を保存する。
- 4. LRMのダッシュボードに、2.で作成したRun IDが表示されていることを確認し、ブラウザ を閉じる。

\*以降、LRMを使用したシーケンスランの開始法は、MiniSeqシステムガイドをご参照ください。基本的には、MNCS画面の「Sequence」から「Local Run Manager」を選択して、必要であれば BaseSpace<sup>™</sup> Sequence Hub (BSSH) について設定し、「Run selection」の画面で、上記2.の「Run Name」に設定したラン名を選択後、「Next」でセットアップを続ける形になります。

Sequence
Check

[参考リンク] MiniSeq System Guide

[参考リンク: Bulletin] Local Run Manager: How to set up a PhiX validation run

#### (2) Manual 設定を用いた方法

\*この方法では、Fastqファイルは出力されません。出力されるランフォルダサイズを可能な限り小 さくしたい場合や、LRMを使用されたくない場合にご選択ください。

#### a. MNCS上でのランの設定

1. 「Sequence」から「Manual」を選択。

MiniSeq<sup>™</sup>用: PhiXを用いた検証ランの実施方法

Hun Setup		Table 11 To Table 11	Construction of the second sec	
A REAL PROPERTY AND A REAL	Load	Review	Check	Sequence
V Calantinum manifesting of	d damas melde			
J Select run, monitoring an	d storage mode.			
etup Runs Using				
Atamat				
Manual				
Q				
( ) Local Run Manag	er			
Sec. 10				
~				
~				
iseSpace Sequence Hub Se	rttings			
useSpace Sequence Hub Se	ttings			

- 2. 必要であればBSSHについて設定し、右下「Next」をクリック。
- 3. Run Setupの画面で、以下のように入力する。
  - Run Name: 適当な名前を入力(例:日付-PhiXrunなど)
  - Read Type, Read Length: 事前確認したラン設定を入力

(例) MiniSeq Mid Output Kit (300 Cycles) を使用し、Read 1を151サイクル、 Read 2を151サイクルで行う場合は、下記のようになります。
Read Type= Paired End
Read 1=151
Index 1=0 (\*重要、100% PhiXランでは、0にする必要があります)
Index 2=0 (\*重要、100% PhiXランでは、0にする必要があります)
Read 2=151

- Custom Primers: チェックを入れないでください。(重要)

Run name *	YYMMDD-PhiXrun		Library ID	
Read type *	Single read		Paired end	
	Read 1	Index 1	Index 2	Read 2
Read length *	151	0	0	151
ustom primers	Read 1	Index 1	Index 2	Read 2
Output folder *	D:\Output			Brows
Sample Sheet	The i5 indexes must be in t	he reverse orientation		Brows

4. 右下にある「Next」を押して、セットアップを進める。

© 2024 Illumina, Inc. All rights reserved. すべての商標および登録商標は、Illumina, Inc または各所有者に帰属します。商標および登録商標の詳細は jp.illumina.com/company/legal.html をご覧ください。 M-JP-00276

### illumina'

MiniSeq<sup>™</sup>用: PhiXを用いた検証ランの実施方法

\*以降の、Manualモードでのシーケンスランの開始法は、MiniSeqシステムガイドをご参照ください。

[参考リンク] MiniSeq System Guide

(2. シーケンスランの設定方法、以上)

本資料に関しましてご不明な点等がございましたら、テクニカルサポートまでお気軽にご相談ください。

Tech Support: techsupport@illumina.com

Website: jp.illumina.com

テクニカルサポート直通 フリーダイヤル: 0800-111-5011 (平日 9:00-17:00)

#### 2024年2月

イルミナ株式会社サービス・サポート部