

日本育種学会 第 130 回講演会 共催ランチョンセミナー

日時：2016年9月24日（土）12:15～13:05

会場：鳥取大学 鳥取キャンパス 共通教育棟 3階 E31 講義室

招待講演

TruSeq Custom Amplicon を用いたダイズの SNP 検出 —目的のゲノム領域の多型を高速・高マルチプレックスで解析する—

農業・食品産業技術総合研究機構 次世代作物開発研究センター

小木曾 映里 先生

次世代シーケンス技術 (NGS) を用いることで、全ゲノムレベルで多型を検出することが可能になってきた。しかし、正確に多型を検出するにはディープシーケンシングが必要であり、解析には時間とコストがかかる。一方、SNP アレイは高精度の多型情報を短時間で得る事ができるが、自由に SNP を選ぶことは困難である。そこで、NGS を用いてこのような問題を改善できる可能性のあるシステムとして、TSCA を検証したので報告する。

■ セミナーの内容に関するお問い合わせ先 Email: contactJPN@illumina.com

企業展示

展示会場では、次世代シーケンサー MiniSeq をご紹介しております。弊社ブースで簡単なアンケートにお答え頂きました方全員に、NGS ができることを網羅した入門書「次世代シーケンステクノロジーのご紹介」と MiniSeq USB メモリーを差し上げます。是非、イルミナブースにお立ち寄りください。

