







### 特徴

シーケンスの一般的な工程と基本原理

Local Run Manager

トラブルシューティング

メンテナンス

**Illumina Proactive** 









### iSeq<sup>™</sup> 100の仕様(2019年6月現在)



<u>リード数 リード長</u> **400万** リード **2x150** base pairs

<u>ラン時間</u> <u>データ量(総塩基数)</u> **9–17.5** 時間 **1.2** giga bases

# iSeq<sup>™</sup> 100消耗品の特徴

カートリッジ



フローセル

### <u>消耗品類は使い捨てタイプ</u>

▶ 試薬カートリッジとフローセルをセットで提供(iSeq 100 i1 Reagent)

試薬カートリッジ内にシーケンスに必要な試薬がすべて含まれる
 ▶ライブラリをロードするだけでシーケンスが可能

<u>流路がカートリッジ内で完結している</u>

▶iSeq 100本体には流路系がないためラン後のウォッシュは不要 ▶以前解析したシーケンスサンプルが残存する心配がない



### シーケンスの一般的な工程と基本原理









illumina





illumina

### - ライブラリ調製:DNAをシーケンス可能な構造にする

### ライブラリ調製の一般的な流れ



※RNAを材料とする場合は断片化前に逆転写が必要

illumina

### ライブラリの構造



### イルミナ製ライブラリ調製キットの検索ツール



https://jp.illumina.com/library-prep-array-kit-selector.html

シーケンスの工程

### ライブラリ調製:DNAをシーケンス可能な構造にする

### 装置内で自動的に行われる



# 2 クラスター形成:ライブラリが増幅される



# iSeq<sup>™</sup> 100ではパターン化フローセルを採用

### 従来のフローセル(ランダムフローセル)

- ・HiSeq 2500, MiSeq, NextSeq, MiniSeqで 採用
- ・クラスターがランダムな位置で増幅

### 新しいフローセル(パターン化フローセル)

・HiSeq 3K/4K/X, NovaSeq, iSeq 100で採用 ・クラスターが決まった位置(ナノウェル内)で増幅 ・クラスターがランダムフローセルよりも高密度化





# パターンフローセルにおけるクラスター形成の原理 -解説動画公開中

E YouTube JF

exclusion amplification illumina

Q

**illum**ına<sup>®</sup>



#### https://www.youtube.com/watch?v=pfZp5Vgsbw0

シーケンスの工程

### ライブラリ調製:DNAをシーケンス可能な構造にする

### 装置内で自動的に行われる



illumina

# 3 シーケンシング:塩基配列情報(蛍光画像)が取得される

#### <u>Sequencing By Synthesis (SBS)法</u>

- ・可逆的ターミネーターを用いて一塩基ずつシーケンスする
- ・1反応毎に蛍光ラベルされた4ヌクレオチドを加える(蛍光の種類で塩基を特定)
- ・3'末端に保護基があるためDNA合成と蛍光検出をstep by stepで進められる
- ・高精度で信頼があり、ホモポリマー領域も正確に解析できる



# SBS法の詳細 - 日本語ウェブセミナー公開中



https://jp.illumina.com/events/webinar/2018/webinar-181128-j.html

iSeq<sup>™</sup> 100におけるシーケンシング



# iSeq<sup>™</sup> 100における塩基決定



- iSeq 100 システムは1 色素シーケンシングを使用
- 上記の表に従って4 つの塩基を1色素と2画像で決定

### イメージング原理:CMOSセンサーの利用

- クラスターは単色の光源で励起される
- 各クラスターには、CMOS内に関連付けられたセンサーがある→イメージングの簡略化

**X**(CMOS : Complementary metal-oxide-semiconductor)



シーケンスの工程

### ライブラリ調製:DNAをシーケンス可能な構造にする

### 装置内で自動的に行われる







# iSeq<sup>™</sup> 100でのアプリケーション例



https://jp.illumina.com/events/webinar/2018/new-product-webinar-iseq-0207.html

ウェビナーを見る



# iSeq 100のシーケンスワークフロー





iSeq 100のシーケンスワークフロー



### iSeq 100のシーケンスワークフロー



# Local Run Managerでのラン作成

Input Tangle Direct				
Rut Name'	Rectineration For Conceptor			
Run Settinge	last lost	. See Deel	• hereix	
han finalit' O B O B B J	Return	MAD I INDEA O	0	100
Module Spacific Satispa				
There in the second sec				- Marcal Jakep

#### Create Run→解析モジュールの順にクリック Local Run Manager 📕 🎉 a ? illumina RUN DASHBOARD TOOLS + 2 + Create Run 0 1 0 1 Ready In Progress Stopped or Complete Total DNA Amplicon GenerateFASTQ RNA Amplicon RUN NAME / ID MODULE STATUS LAST MODIFIED +

▲ solan IN 一 実 VIEW CART × ①予算や調査問リウエスト 編 株式要加集リクエスト も お問い合わせ ◎ ロケーション家	
IIIUmina	IIITA
前方時 第7日本 システム 第8日・サービス インフィマティクス サイエンスと第日 カンパビー - サポート Q (804)	前先す法。システム 新品・サービス インフォマライタス - サイエンスと教育 - カンパニー - サポート Q (804)

#### ラン条件とサンプル情報を入力

Import Sample She	ret							
Run Name*				Run Description				
test				Run Description				
Run Settings								
Library Prep Kit*	Nextera XT V2		-	Read Type*	O Single Rear	t	Paired End	
Index Reads *	00 01	02			READ 1	INDEX 1	INDEX 2	READ 2
Index reeds	0. 0.	0.		Read Lengths*	151	8	8	151
Module-Specific Set Adapter Trimming *	ttings On	0		Custom Primers	570		5	.71
Module-Specific Set Adapter Trimming *	ttings De	•		Custom Primers	5) 5)		- Show A	dvanced Setti
Module-Specific Set Adapter Trimming *	On nce	0		Custom Primers	æ.	-	Show A	dvanced Setti
Module-Specific Se Adapter Trimming * Show Index Seque	Cm Cm PLE ID *	9 SAMPLE DESCRIPTION	INDEX	1 (I7)	INDEX 2 (15)		Show A	dvanced Setti
Module-Specific Set Adapter Trimming * Show Index Seque	Cos nce APLE ID *	0 SAMPLE DESCRIPTION	i INDEX A-N701	1 ((7) A-55	INDEX 2 (15) 02		Show A	dvanced Setti
Module-Specific Set Adapter Trimming * Show Index Seque 1 (flumina	Con Con APLE ID *	© SAMPLE DESCRIPTION	i index A-N701 NAME SEQU	1 ((7) A-S5	INDEX 2 (15)		Show A	dvanced Setti
Module-Specific Set Adapter Trimming * Show Index Seque 1 Burnina	Con	o  sample description	I INDEX (A-N701) NAME SEQU A-N701 TAAGG	5 (77) ENCE CGGA	INDEX 2 (15) 02		Show A	dvanced Sett
Module-Specific Set Adapter Trimming " Show Index Seque 1 Burmina	Con Con Annual Con Annual Con Annual Con Annual Con Annual Con Annual Con	• • sample description	A-N701 A-N701 A-N702 CGTA	1 (07) A-50 ENCE CTAG	INDEX 2 (15) 02		Show A	dvanced Sett
Module-Specific Set Adapter Trimming * Show Index Seque 1 Blumina	nce apple 10 °	© SAMPLE DESCRIPTION	A-N701 NAME SEQU A-N702 CGTA A-N703 AGGC A-N703 AGGC	1 (07)      A-50        ENCE      -        CCAG      -        CAGAA      -	INDEX 2 (15) 02		Show A	dvanced Setti



### iSeq 100のシーケンスワークフロー



### 試薬の融解

- ホイルバッグに入れたまま試薬カートリッジ(-20℃保存品)を溶かす
- 下記いずれかの方法で融解させる:

方法	融解時間	安定限界	手順
20℃ ~ 25℃、 ウォーターバス	6 時間	~18 時間	・ウォーターバスに十分量の水を準備する ・ウォーターバスを 25℃にセットするか水温を 20℃ ~ 25℃になる ように準備する ・カートリッジをラベルが上に向くように完全に沈め、おもりを乗せて浮かんでこないようにする
4℃~8℃、 冷蔵庫	36 時間	~72 時間	・ラベルが上を向くようにカートリッジを置き、底面を含むすべての面が空気が循環するようにする
室温、 実験台など	9 時間	~18 時間	・ラベルが上を向くようにカートリッジを置き、底面を含むすべての面が空気が循環するようにする

- つねにラベルを上向きにしたまま融解させる
  - 融解後、再凍結させない
  - ドライアイスで到着した直後にウォーターバスに漬けることはしない



### iSeq 100のシーケンスワークフロー



シーケンスのためのライブラリの準備



### ライブラリを1nMに希釈する

- Resuspension buffer (RSB) もしくは10mM Tris-HCI, pH 8.5を使用して希釈する

• 適切なローディング濃度に希釈した 100 µl のライブラリ溶液を準備する:

Library Type*	Loading Concentration (pM)	1 nM Library Volume (µl)	RSB Volume (µl)
100% PhiX	60	6	94
AmpliSeq Library PLUS for Illumina	50	5	95
Nextera DNA Flex	200	20	80
Nextera Flex for Enrichment	100	10	90
TruSeq DNA Nano	100	10	90
TruSeq DNA PCR-Free	100	10	90

上記リストにないタイプのライブラリでは 50 pM のローディング濃度から開始し、
 次回以降のランで最適化を行っていく
 ※最適なローディング濃度はライブラリタイプにより変動する

# PhiXのスパイクインについて

- PhiX とは?
  - ウィルス由来の短くて配列の判っているコントロールライブラリ
    - 追加の統計情報、塩基出現の多様性の付与、シーケンスのポジティブコントロール、
      といった利点をもたらす
  - RSB で PhiX を 1 nM に希釈する
  - 添加するライブラリと同じ濃度に PhiX をさらに希釈する:

PhiX Loading Concentration (pM)	1 nM PhiX Volume (μl)	RSB Volume (µl)
50	5	95
200	20	80

- 2 µl の希釈済 PhiX を、100 µl の希釈ライブラリに加えることで~2% PhiX spike-in となる
  - シーケンシングデータにおける PhiX の実際の割合は、ライブラリの品質と量によって 異なる



iSeq 100のシーケンスワークフロー



カートリッジへのロード

- パッケージを破って開封
- 5回転倒混和し、机に軽く叩きつけ泡 抜き
- ライブラリのロード
  - ピペットチップを使用してライブラリ リザーバーのホイルに穴を開ける
  - 20 µl のライブラリをリザーバーの底 に加える
- フローセルのロード
  - フローセル(4℃保存品)は結露を防 ぐために冷蔵庫から取り出したあと袋 のまま室温に 10-15 分置いておく









iSeq 100のシーケンスワークフロー





### • Sequence を選択












#### セットアップ – BaseSpace Sequence Hubを使用する場合

- BaseSpace Sequence Hub にログインする
- Run Monitoring Only
  - リモートでのモニタリングのためにランメトリックのみ送信
- Run Monitoring and Storage
  - BaseSpace Sequence Hub にランデータを送信し、 リモートでのモニタリングに加えて解析も可能

- このオプションではサンプルシートが必要となる



#### ※上記設定が必要ない場合はSkip BasseSpace Sequence Hub Log inをクリック

(----)

# セットアップ-Local Run Manager Mode

- ランを選択し、Start Runをクリック
  - 設定していたランを選ぶ(ラン条件が出てこない場合は 2 をクリック)
     ※ユーザー管理機能をオンにしている場合はログインが求められる

≡ iSeq 100 ⊘(0)			□ ×		
Consumables Information		Dun Managar Log In a	Consumables Information Flow Cell SN BNS00000-0000	Run Sei	tup 💿
Lot Number 12345	Local	Run Manager Log In 🕲	Lot Number 12345	Run Name	💉 iSeq Demo Run
Reagent Cartridge	Username	Enter username	Cartridge SN RC000000		iSeq Demo Run 1
Run Cycles 350	Password	Enter password	54321 Run Oydes	Read Type	iSeq Demo Run 2
Lot Number 54321			350	Read Cycle	151 8 8 Read 1 Index 1 Index 2
> Alerts (0)			> Alerts (0)		
				Output Folder	D:\SequencingRuns
Cancel		Log In	Cancel Run		



### **セットアップ – Manual Mode** • ランパラメーターを設定し、Start Runをクリック



- >Advancedを選択することで、アウトプットフォルダの編集や個々のライブラリの インデックス情報を持つサンプルシートを加えることができる
  - テンプレートをダウンロードしてファイル名を SampleSheet.csv とする必要がある

(=)

# プレランチェック



- Start Runをクリックするとプレランチェックが自動的に開始
  - この工程内のFlow checkで、カートリッジ内のシールに穴が開けられ
    - バッファーがフローセルに流し込まれる
    - Flow check以降は消耗品の再利用は不可

≡ iSeq 100 <b>⊘</b> (0)		
	Pre-Run Checks  The pre-run check takes about 15 minutes. When complete, sequencing starts automatically. <b>iSeq Demo Run</b> Instrument check	
	Flow check	~
Cancel Run		

- プレランチェックにはおおよそ15分かかる
- ランはプレランチェックが正常に完了すると自動で開始される

ランモニタリング



• Paired-end 2x151 bp, dual index 8+8 ランはおおよそ 17.5 時間かかる



( = )

#### iSeq 100 ラン後の手順

ランが完了したら、[Eject Cartridge] を選択する



フローセルとカートリッジを自治体や施設に適用される基準
 に従って廃棄する(廃液タンクはカートリッジ内蔵)



### iSeq 100のシーケンスワークフロー



(i) Local I	Run Manager 🗙 🔪						<b>e</b> – d ×
$\leftrightarrow \Rightarrow c$	Secure   https://localhost/#/home						☆ :
Apps	1 Illumina   Sequencing						
Loca	l Run Manager 📗 🔤 🔤	RU	IN DASHBOARD	TOOLS -			م ؟   illumına
		27	1	5	10	43	+ Create Run
		Ready	In Progress	Stopped or Unsuccessful	Complete	Total	
	RUN NAME / ID	MODULE		STATUS		LAST MODIFIED -	
	20190318validation 20190318_FFSMP009_16_BPA73017-2229	GENERATE	FASTQ	Analysis Completed		2019-03-19 09:23	Actions
	20190315validation 20190315_FFSMP009_15_BPA73017-1233	GENERATE	FASTQ	Analysis Completed		2019-03-16 10:48	Actions
	20190222-hm-testDNAamplicon2 190222_MN00808_0029_A000H2MYV3_2	GENERATE	FASTQ	Analysis Completed		2019-02-25 18:44	Actions

- Local Run MangerのDashboard から解析状況の確認が可能
- 解析結果は該当するランを選択することで閲覧可能



解析状況・結果の閲覧



#### Run Overview

	SAMPLES & RESULTS		୍ର <u>କ</u>	Requeue Ar	halysis				
Run Name         20190318validation           Run ID         20190318 FESMEDOIQ 16 BEA72017-2229	Analysis Completed Successfully complet	ed in 8.35 minutes						Sequ	encing Information
Created By System User	Total Clusters	7,688,000	RUN OVERVI	EW	SEQUENCING INFORMA		SAMPLES & RESULTS		<b>'D</b> Requeue Analysis
Description	% Clusters PF	76.5%							
Output Run Folder	% ≥ Q30 (Read 1)	96.3%	Instrument Name Sequenced By		FFSMP009 System User		Module Ve With)	rsion (Created	2.0.0
Drzedneucuğkruiz/01a0318_FE2Wh00a_16_BFA13011-5555	Last Scored Cyc	94.6% le 302	Read Lengths		2019-03-18 16:09	READ	12		
			151	0	0	151			
Samples and Results			Barcode Part Number Lot Number Expires		BPA73017-2229 20009555 20324613 2019-12-05T00:00:00.000	00000	Barcode Part Numb Lot Numbe Expires	er Fr	FY0014555-FC6 20025914 20313262 2019-09-06T00:00:00.0000000
RUN OVERVIEW 0 SEQUENCING INFORMATION	SAMPLES & RESULTS		F C	Requeue Ar	alysis				
Select Analysis 1 O	Folder encingRuns\20190318_FFSMP00!	<b>E</b>							
Select Analysis Analysis 1 D:\Seque	older encingRuns/20190318_FFSMP00:		INDEX 1 (17)	INDEX 2	(15)				

# ランフォルダはどこにある?(デフォルト設定)

#### ランごとに2つのランフォルダが作成される

-ひとつ目はD:¥Illumina¥iSeq Runs



-ふたつ目はD:¥SequencingRunsあるいは指定されたネットワークに作成



 マニュアルモードでランをした場合は、上記保存先からランフォルダを丸ごと コピーし、別途Linux環境でfastq作成を行う必要がある

illumına<sup>®</sup>

## 解析結果はどこにある? (Generate FASTQの場合)

RUN OVERVIEW	SEQUENCING INFORMATION	SAMPLES &	RESULTS				D Requeue Analys
Run Name 20190	318Validation		Analysis Completed	t			
Run ID 20190	318_FFSMP009_16_BPA73017-2229		Successfully comple	eted in 8.35 minu	utes		
Created By System	n User		Total Clusters		7,688,000		
Description			% Clusters PF		76.5%		
Output Run Folder			% ≥ Q30 (Read	1)	96.3%		
D:\SequencingRuns\20190	0318_FFSMP009_16_BPA73017-2229		% ≥ Q30 (Read :	2)	94.8%		
			Last Scored Cy	cle	302		
-	•						_
📙   🛃 📒 🗢   201903	18_FFSMP009_16_BPA73017-2229						
File Home S	hare View						
$\leftarrow \rightarrow \cdot \land \square$	This PC > Data (D:) > Sequenci	ingRuns ⇒ 20190	318_FFSMP009_1	6_BPA73017-2	2229 >		
	Name		Date modifie	d Typ	e	Size	
Quick access	Alignment_1		3/19/2019 9:2	3 AM File	folder		
This PC	Config		3/18/2019 4:0	9 PM File	folder		
Desktop	Data		3/18/2019 9:0	11 PM File	folder		
📙 🛛 🛃 🖬 🖛 🖌 Aligni	ment_1						
File Home S	Share View						
$\leftarrow \rightarrow \cdot \uparrow$	→ This PC → Data (D:) → Seque	ncingRuns > 20	190318_FFSMP0	09_16_BPA73	3017-2229 > Al	ignment_1	>
	Name		Date mo	dified	Туре	Size	
📌 Quick access	<b>— — — — — — — — — —</b>		2 11 2 12 2				
This PC	20190319_091434		3/19/201	9 9:23 AIVI	File tolder		
	_ <b>_</b>						
📃   🖓 📕 🚽   20190319	091434						
Output Run Folder       % 2 G00 (Read 1)       96.3%         D:SequencingRuns/20190318_FFSMP009_16_BPA73017-2229       % 2 G00 (Read 2)       94.8%         Last Scored Cycle       302         Image: State of the sta							
	This PC → Data (D:) → SequencingRi	uns > 20190318_FF	SMP009_16_BPA7	3017-2229 >	Alignment_1 > 2	20190319_0914	134 >
1	Name	Da	te modified	Type	Size		
🖈 Quick access	Canta I	20	0/2010 0.22 654	Ele feld	and to		
🛄 This PC	rastq	3/	9/2019 9-23 ΔM	File folder			
Desktop	AdapterCounts.txt	3/	19/2019 9:23 AM	Text Docum	nent	1 KB	
Documents	AdapterTrimming.txt	3/	19/2019 9:23 AM	Text Docum	nent	4 KB	
	Analysis Error txt	3/	0/2010 0-23 AM	Text Docum	hent	1 KB	

- 出力ファイルと出力先は解析モジュール毎 に異なる
  - 各解析モジュールのWork Flow Guideを参照
- Generate FASTQの場合、fastqファイル出 力先は、左記のフォルダ構造(デフォルト 設定)
- Local Run Manager内「Output Run Folder」がランフォルダの場所を示す

$\rightarrow \cdot \uparrow$	This PC > Data (D:) > SequencingRuns > 20190	318 FFSMP009 16 BPA7	3017-2229 → Alianm	nent 1 > 20190319 091434 > Fas	
	Name	Date modified	Туре	Size	
🖈 Quick access	FastgSummaryF1L1.txt	3/19/2019 9:23 AM	Text Document	1 KB	
This PC	Phix_S1_L001_R1_001.fastq.gz	3/19/2019 9:23 AM	GZ File	404,483 KB	
📃 Desktop	Phix_S1_L001_R2_001.fastq.gz	3/19/2019 9:23 AM	GZ File	419,883 KB	
Documents	Undetermined_S0_L001_R1_001.fastq.gz	3/19/2019 9:23 AM	GZ File	1 KB	
Downloads	Undetermined_S0_L001_R2_001.fastq.gz	3/19/2019 9:23 AM	GZ File	1 KB	



#### Local Run Manager





### Local Run Manager

- 装置内蔵のソフトウェアソリューション
- ベンチトップ型シーケンサー用にデザイン:
  - iSeq<sup>™</sup> 100以外にMiniSeq<sup>™</sup>, MiSeq<sup>™</sup>, NextSeq<sup>™</sup> 500/550のデータ 解析にも対応
- Windows ベース(Windows 7および10と互換性あり)
  - 装置外のwindows PC にもOff-Instrumentとしてインストール可能



# iSeqにインストールされているLocal Run Manager の特徴

#### **2.**x

#### 様々な解析モジュールをインストール可能

Generate FASTQ, DNA Amplicon, RNA Amplicon, Amplicon DS, DNA Enrichment, Resequencing, Small RNA, TST15 v2, PCR Amplicon, Assembly, 16S Metagenomics, Library QC

<u>→Local Run Managerサポートページから必要なモジュールのインストーラーをダウンロードし、インス</u> <u>トールを行う</u>

#### 注意点

- ・iSeq 100はPCのスペックが低いためモジュールによっては解析終了に数日時間を要する場合がある
- ・Local Run Managerにはいくつかのフレームワークがある
- 2.x フレームワーク専用のモジュールをウェブページからダウンロードし、インストールする必要がある
   ※特にLocal Run Manager for MiniSeqの解析モジュールをダウンロードしないよう注意



解析モジュールのインストール



### Local Run Manager へのアクセス

#### ウェブブラウザを介して閲覧する

- 装置やインストールされた PC で直接: http://localhost/
- 同じネットワーク内のウェブブラウザから : http://{ip address}/
- Chrome もしくは Chromium に最適化されている

Local Run Manager 📕 📴 Diss-UNW0141
Local Run Manager
Luser Name
Password
Sign In
Forgot your user name or password?
Instrument: ISeq USSD-DS-VMW0141 Local Run Manager Version: 2.1.1

### Local Run Managerログイン後の画面-Run Dashboard

 iSeq 100, MiSeq, Off-Instrument用のLocal Run Managerは 同一のプラットフォーム

	装置名	とバー	ジョン	1			ユーザー
Loca	al Run Manager 📗	ISEQ USSD-DS-VMW014	.1 R	UN DASHBOARD	TOOLS -	Q ?	🔺 David Silva 👻 🛛 🖬 🖌 🖌 🖌
		43	0	1	1	45	+ Create Run
		Ready	In Progress	Stopped or Unsuccessful	Complete	Total	
	RUN NAME / ID	MODULE		STATUS		LAST MODIFIED -	
	Training2	DNA AMPLIC	CON	Ready for Sequencir	ng	2018-05-29 08:46	Actions
	training 	GENERATEF	GENERATEFASTQ		Ready for Sequencing		Actions



# Local Run Managerの詳細

- Local Dup Managerth +

単いないとの         ●ログークションを用         ●ログークション         ●ログークション         ●ログークションを用         ●ログークションを用         ●ログークション         ●ログークション         ●ログークリ         ●							
Local Run M Support Resources	anager		新登場 MiSeq Control Software Run Manager v2.0 の紹介【イル ェビナー】	v3.1 / Local ミナiSchool ウ			
This page supports on- and off-instrument ven Run Manager for the MiniSeq System Support	ions of Local Run Manager. If you sequence AmpliSeq for	Illumina panels on the MiniSeq System, visit Local	詳細 <	Date & Time			
Documentation	Software	Product Information Technical Bulletins	2019年1月に MSeq Control Software (MCS) v3.1 がリリースされました。大幅な変更なとして、内温解 桁電街がこれまでの MSeq Reporter からLocal Run Manager (LRM)に変わりました。ランセットアップ の際には、LRM、SampleSheet、マニュアル入力、の3つの方法が運転可能になっております。本ウェビ ナーでは今回のリリースによる MCS の変更点と LRM の機能について触れます。	2019/04/22 Location Japan Asia Topic Life Sciences			

.....

http://jp.support.illumina.com/sequencing/sequ encing\_software/local-run-manager.html

#### https://jp.illumina.com/events/webinar/2019/we binar-190422-j.html



### Local Run Managerではどのような解析が行われる? -各解析モジュールのWorkflow Guideに詳細が記載

	illumına	Local Run Manager Amplicon DS Analysia Module Workflow Guide	
Local Run Manager 16S Metagenomic Analysis Module Workflow Guide	CS	Local Run Manager Amplicon DS Analysis Mode Workflow Guide	ule
Overview Set Parameters Analysis Methods View Analysis Repolt Analysis Output Files Custom Analysis Settings Technical Assistance	3 5 6 7 8 8 10	Overview Set Parameters Analysis Methods View Analysis Report Analysis Report Analysis Output Files Custom Analysis Settings Revision History Technical Assistance	3 5 7 7 9 15 17 19

http://jp.support.illumina.com/sequencing/sequencing\_software/localrun-manager/documentation.html



トラブルシューティング







- ・イルミナへのランクオリティデータやログファイルの送付
- ・装置再起動
- ・システムチェック







システムチェックの方法

#### 必要なもの:

・ テストカートリッジ、テストフローセル

※どちらも再利用可能だが使用期限/使用限度に注意 (使用期限/使用限度は5年/35回の短い方)





# 装置へのログインパスワードを忘れたらどうすればいい?

- 装置へのログインパスワードはイルミナ側から確認・修正等が一切できない
  - 可能な限り忘れないパスワードを設定することを推奨
  - 最終手段として装置を工場出荷状態へ戻すことでパスワードはリセットされるが作業が煩雑
- 方法
  - 装置を再起動し、「Restore to Factory Settings」 を選択
  - 装置起動時に5秒間プロンプトが表示される
  - 確認の後、C:¥ ドライブが消去され、コントロー ルソフトウェアがアンインストールされる
  - iSeq Control Software をサポートページからダウ ンロードする
  - テストカートリッジとテストフローセルを使用し、 ソフトウェアのインストールを完了する
  - Local Run Managerの解析モジュールをインス -トールする



60

メンテナンス





# iSeq 100 装置メンテナンス





## HDD のクリーンアップ

- ランデータを定期的に削除することを推奨
- 各ランは~2 GB の容量が必要
- コントロールソフトウェアから選択
  - Process Management を選択
  - Delete Run を選択
    - アクティブなランは削除不可
    - 出力フォルダは削除不可
  - ランの削除には Yes を選ぶ
  - Done を選んで作業を完了する





# ソフトウェアアップデート

- パッケージ化されたシステムスイートと呼ばれるソフトウェアアップデー
   トで、下記が含まれている:
  - iSeq Control Software
  - iSeq 100 System Recipes
  - Real Time Analysis
  - Local Run Manager



- オートマティックアップデートではインターネット接続が必要だが、BaseSpace Sequence Hubアカウントは必要ない
  - アップデートが利用可能になると、コントロールソフトウェアメニューに通知のアイコンが 表示される
- マニュアルアップデートでは サポートページから System Suite のインストーラーを ダウンロードし、USB経由で機器に転送する必要がある





 コントロールソフトウェアは、最初のセッ トアップから6ヶ月ごとにエアフィルタの 交換を促す





を押して外す

にセットし、押 して固定

挿入し、所定の 位置に押し込む

## 予防メンテナンス - ドリップトレイの交換

- まれなことではあるが、プレランチェックやシーケンス中に漏れが検出される
  - ソフトウェアはランを終了し、警告し、カートリッジを排出する
- 装置の底にあるドリップトレイによりカートリッジからの試薬漏れがキャッチ される
  - 通常状態ではドリップトレイは乾いている



- トレイ上に液体が見える場合は、装置ガイドに従ってパッドを交換する
- パッドの交換は年間保守の一環となる

#### **Illumina Proactive**





### Illumina Proactiveとは

#### 装置パフォーマンスデータの自動アップロード

- トラブルが発生した際に、お客様にデータをお送りいただく負担を軽減し、弊社サポート
   チームによる迅速な診断を可能にする
- 装置の故障リスクの自動検出
  - リスクを自動検出し、予防的な修理を弊社のサポートチームよりプロアクティブにご提案
- Illumina Proactiveのメリット
  - ダウンタイムの軽減
  - トラブルシューティングの効率化
  - 時間・労力・試薬・サンプルの損失の低減



## イルミナに送信される情報 - アップロードされるデータ

サンプルや配列の情報はモニターされず、イルミナからアクセスできない

	ランパフォーマンス		装置の設定		ランの設定	
収集されるデータ	<ul> <li>Q-scores</li> <li>エラーレート</li> <li>装置ログ</li> </ul>	•	装置シリアル番号 ソフトウェアバージョン	•	ラン条件 試薬ロット番号 解析の設定とログ	
目的	<ul> <li>・ 障害のリスク予測</li> <li>・ 障害の検出</li> </ul>	•	ランのトラブルシュート ソフトウェアのトラブル シュート	•	ランのトラブルシュート ソフトウェアのトラブル シュート	



## Illumina Proactiveを有効にする方法 (Control Software v1.3)



- ホーム画面からSystem Settingsを選択
- Run Modeタブを選択
- None以外のいずれかをチェック

-Run Monitoring and Storage: クラウドにシーケンスデータも送信したい場合 -Run Monitoring:リモートでのモニタリングのためにランメトリックのみ送信する場合 -Instrument Performance Data Only: 前ページ記載のデータのみをイルミナへ送る場合

llumina

70

# Illumina Proactiveを有効にする方法 (Control Software v1.4以降)



- ホーム画面からSystem Settingsを選択
- Settingsタブを選択→Set Up Manuallyをクリック
- Turn on illumina Proactive Supportをチェック



# Illumina Proactiveについての詳細情報 – ウェブページ



サービス/ 装置関連サービス、トレーニング & コンサルティング / 製品サポートサービス: Proactive装置モニタリング

#### Proactive装置モニタリング

Illumina Proactiveは、無料で提供される安全な遠隔差層モニタリングと予 防的サポートのサービスです。イルミナは、お客様のラボにとって、安定 した装置の操働がさわめて重要であると考えています。そのため、計画外 のダウンタイムを最小限に知え、不要なサンプルのロスを回覧できるよ う、修理が必要になる前にその必要性を予測することで、お客様のお役に 立てるべく、努力しています。 お客様がお使いの装置をIllumina Proactiveと接続することで、業務に支算 が及ぶ前に故ゆリスクを知ることができるようになります。イルミナのサ ービスサポートチームは、装置性能データを解析し、必要に応じてトラブ ルシューティングを行い、お客様と連携して必要なメンテナンスのスケジ ュールを作成します。

#### Proactive装置モニタリングの利点

お使いのシーケンサーをIllumina Proactiveに接続していただくと、以下のようなサポート をご提供できます:

- より効果的なトラブルシュートの実施 イルミナサービスサポートチームは装置性能データへアクセスすることで遠隔で装置 リスクを迅速に評価し、トラブルシューティングを行うことができます。
- リンースの喪失を回避 稼働中の故障を予約することで、それに伴う時間、労力、試薬、そして貫重なサンプ ルの口スを抑えます。

Illumina Proactiveサービスの 概要

リアルタイム装置モニタリングの活用法 と、接続方法のご案内。

PDFを読む

https://jp.illumina.com/services/instrumentservices-training/product-supportservices/instrument-monitoring.html


補足情報



## illumina

# iSeq 100 Sequencing System Guide

#### illumina<sup>\*</sup>

iSeq 100

Sequencing System Guide



文書番号:1000000036024 v03 JPN 2018年8月 本製品の使用目的は研究に限定されます。診断での使用はできません。

目の

第1章 概要	
オロモマレアンプロション 11 利用モレシアンプロション 11 パロシンション用ラン 12 ションドロールングラウェアの最小化 22 シンパロールングラウェアの最小化 22 シンパロールング 22 シンパロールングラウェアの ロークプラウェアの ロークプラウェアの ロークプラウェアの ロークプラウェアの ロークプラウェアの ロークプラウェアの ロークプラウェアの ロークプラウェアの ロークプラウェアの ロークプラウェアの ロークプラウェアの ロークプラウェアの ロークプラ ローク ローク ロークプラ ローク ローク ローク ローク ローク ローク ローク ローク	
第0章 シーケンス     19       はじめに     19       マントボックル液     19       マントボックティス     19       マントボックティス     20       マントボックティス     20       マントボックティス     20       マントボックティス     21       プローセルビション     21       プローレルションの酸率     21       プローレルションの酸率     21       プロレーレルションの型率     23       ジーケンスランの数定 (Manualモード)     25       シーケンスランの数定 (Manualモード)     28	
第4章 メンテナンス     31       ハードドライブスペースのクリア     31       ソフトウェアのアップート     31       エアフィルターの交換     33       紫霞の声波音     35       ソフトウェア制限ポリシー     36	
付録A シーケンスの出力     39       Real-Time Analysis履更     39       Real-Time Analysis     39       Analysis     41	
付録B トラブルシューティング 45   エラーメッセージの解消 45   ランの取り消し 46   装置の再起動 46   システレデェックの実施 47   潮れの緩和 49   工場出荷時の設定を回復 52	
文實書号:100000036024 v03 JPN 本製品の使用目的は研究に限定されます。診断での使用はできません。	v

付録C 事前交換 (Seq 100システムの交換 交換用システムの受け取り	53 53 53 53 53 57
索引	60
テクニカルサポート	

文書番号:100000006024 v03 JPN 本製品の使用目的は研究に限定されます。診断での使用はできません。

http://jp.support.illumina.com/downloads/iseq-100-system-guide-1000000036024.html



## **Web-Based Trainings**



https://jp.illumina.com/systems/sequencing-platforms/iseq/how-to-start.html



# サポートウェビナーにご参加いただき ありがとうございました。

#### 本日のセッション終了後のご質問は、 techsupport@illumina.com で承ります。

#### テクニカルサポート直通のフリーダイヤルも ご利用ください(AM9 – PM5)。

0800-111-5011

illumina