illumina® | EMEDGENE

ゲノム洞察を解き放つ

説明可能なAI（XAI）と自動化により
効率と信頼度を向上させ、臨床研究の
三次解析ワークフローをサポートします

Emedgeneは、定義したレポート生成ワークフローを
通じてバリアント解釈を合理化し、統合します。

主要な研究機関からの信頼を得ています

BAYLOR GENETICS　SickKids　MAYO CLINIC　Greenwood Genetic Center　fleury medicina e saúde | Genômica

本製品の使用目的は研究に限定されます。診断での使用はできません。

自信を持って臨床研究の三次解析ワークフローを拡張

合理化

XAIとカスタマイズ可能な自動化の
アプリケーションを通じて、
貴重な時間を被験者あたり
75%も節約します

統合

LIMSおよびその他の
医療ITシステムと統合し、
アッセイワークフロー全体を
シンプルかつ安全に実施します

成長の原動力

専門家チームのサポートにより、
進化を続ける科学、テクノロジー、
需要に高い信頼性で対応します

多様な使用用途に適用される強力なコアAIテクノロジー

適応アッセイ

全ゲノム（WGS）、全エクソーム（WES）、バーチャルパネル、
またはターゲットパネルのワークフローを実装し、
ラボのデジタルエコシステムに統合します。

メニューの拡張性

バックボーンアッセイのWGSまたはWESに解析の範囲を
広げたり、パネルを標準化したりできます。SNV、Indel、CNV、
mtDNA、SV、STRバリアントなど、さまざまなバリアントタイプを
解析します。

スケールの拡大

XAIと自動化されたワークフローを使用して、
人員を増やすことなくスループットを向上させます。

キュレーションした知見を共有

コラボレーション機能を活用し、ラボのプライベートネットワークを
通じて知見を共有します。

本製品の使用目的は研究に限定されます。診断での使用はできません。

ゲノミクスにおけるAIの役割は、ノイズを削減し、最も多くのエビデンスを備えたデータを浮き彫りにすることです

効率性

規模の拡大と効率の向上をサポート

被験者あたりの時間

ターンアラウンドタイムの短縮とコストの削減

正確性

アプリケーション全体で自信を持ってバリアントに優先順位付け

スムーズな導入、統合、運用に必要なすべてのエンタープライズ機能

自動化ACMG分類
SNV、Indel、およびCNVの自動分類により、分類時間を最大90%節約します。

検査とバリアントタイプの幅広いポートフォリオ
WGS、WES、ターゲットパネルまたはバーチャルパネルからのSNV、Indel、CNV、SV、STRおよびmtDNAの解釈をサポートします。

SOPと高度なフィルター
既定のカスタムフィルターセットを作成するか、高度なフィルタリングシステムを使用して、プラットフォームに標準操作手順（SOP）を実装します。

知見管理
お客様の組織でキュレーションし、タグ付けしたゲノムデータのナレッジベースを維持します。

合理化されたワークフローとコラボレーション
ラボ向けにカスタマイズされたワークフローを実装し、チームのコミュニケーションを促進します。

自動カスタムレポート作成
レポートをカスタマイズ、編集し、自動的に入力します。HTMLは必要なく、手作業は最小限に抑えられます。

優れたAPI相互運用性
主要なLIMS、ストレージ、パイプラインなどにAPIを統合することでワークフローを自動化します。

キュレーションした知見を共有
キュレーションされたバリアントをラボのプライベートネットワーク全体で安全に共有し、チームのコミュニケーションを促進します。

本製品の使用目的は研究に限定されます。診断での使用はできません。

ライブラリー調製、シーケンス、データ解析に至るまでの研究ワークフローを統合して合理化します。

ウェビナー

解釈のボトルネックを解消

Baylor Genetics社のLinyan Meng博士が、AIを用いることで原因となるバリアントの特定が97%の精度を示す共同研究を発表しています

論文

Nature Genomic Medicine

ボストン小児病院は、臨床研究ゲノミクス構想にEmedgeneを取り入れています

論文

American Journal of Medical Genetics

ブラジルのヘルスケア業界の巨大企業であるFleury社がAIを用いて生産性を向上させます

Emedgeneは、大規模なゲノム発見のためのデータ駆動型AIソリューションを提供することでゲノム洞察を解き放つというお客様の使命に貢献します。

illumina®

Tel (03) 4578-2800　Fax (03) 4578-2810
techsupport@illumina.com
jp.illumina.com

© 2023 Illumina, Inc. All rights reserved.
すべての商標および登録商標は、Illumina, Incまたは各所有者に帰属します。商標および登録商標の詳細はjp.illumina.com/company/legal.htmlをご覧ください。

略語リスト:

ACMG	米国臨床遺伝ゲノム学会
AI	人工知能
API	アプリケーションプログラミングインターフェース
CNV	コピー数バリアント
EHR	電子健康記録
GDPR	EU一般データ保護規則
HIPAA	医療保険の携行性と責任に関する法律
LIMS	ラボ情報管理システム
mtDNA	ミトコンドリアDNA
NLP	自然言語処理
SNV	1塩基変異
SOC	業務受託会社監査
SOP	標準操作手順書
STR	ショートタンデムリピート
SV	構造多型
TAT	ターンアラウンドタイム
WES	全エクソームシーケンス
WGS	全ゲノムシーケンス
XAI	説明可能な人工知能

M-GL-00570 v1.0-JPN

本製品の使用目的は研究に限定されます。診断での使用はできません。